(19)日本国特許庁(JP)

(12) 公開特許公報(A)

(11)特許出願公開番号 特開2000-83932 (P2000-83932A)

(43)公開日 平成12年3月28日(2000.3.28)

(21)	m	E.(<i>ب</i> ار.	
Α	6	7	В	5/14

G01N 21/31

(E1) 1 . OT 7

識別記号

FΙ

デーマコート*(参考)

A 6 1 B 5/145

A 6 1 B 5/14

310 2G059

G 0 1 N 21/31

Z 4C038

審査請求 未請求 請求項の数4 OL (全 11 頁)

(21)出願番号

(22)出願日

特顯平10-260510

平成10年9月14日(1998.9.14)

(71)出願人 390014960

シスメックス株式会社

神戸市中央区脇浜海岸通1丁目5番1号

(72)発明者 浅野 薫

神戸市中央区港島中町7丁目2番地の1

東亞医用電子株式会社内

(72)発明者 高地 泰浩

神戸市中央区港島中町7丁目2番地の1

東亞医用電子株式会社内

(74)代理人 100088867

弁理士 西野 卓嗣

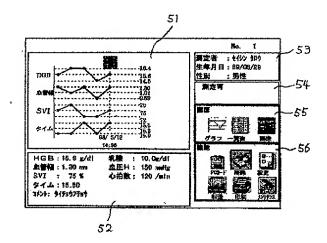
最終頁に続く

(54) 【発明の名称】 無侵襲生体成分計測装置

(57)【要約】

【課題】 同一人の生体成分情報と任意選択情報の時系 列データを解析結果として表示させることが可能な無侵 襲生体成分計測装置を提供すること。

【解決手段】 上記の無侵襲生体成分計測装置は、検査対象とする生体に光を供給するための光源部と、光を受けた生体に光学的情報を検出する受光部と、光学的情報をデータ処理するデータ処理部と、データ処理により得られた生体成分情報を出力する出力部と、データ処理に必要なデータを入力したり操作を行う操作部を備え、データ処理部は同一人の生体成分情報と任意に選択された任意選択情報の時系列データを解析結果として出力部に表示させることを特徴とする。さらに、任意選択情報が同一人の行動成績、運動成績、タイムトライアル成績であることを特徴とする。



【特許請求の範囲】

【請求項1】 検査対象とする生体に光を供給するための光源部と、光を受けた生体に光学的情報を検出する受光部と、光学的情報をデータ処理するデータ処理部と、データ処理により得られた生体成分情報を出力する出力部と、データ処理に必要なデータを入力したり操作を行う操作部を備え、データ処理部は同一人の生体成分情報と任意に選択された任意選択情報の時系列データを解析結果として出力部に表示させるととを特徴とする無侵襲生体成分計測装置。

【請求項2】 任意選択情報が同一人の行動成績である ことを特徴とする請求項1記載の無侵襲生体成分計測装 置。

【請求項3】 任意選択情報が同一人の運動成績である ことを特徴とする請求項2記載の無侵襲生体成分計測装 置

【請求項4】 任意選択情報が同一人のタイムトライアル成績であることを特徴とする請求項3記載の無侵襲生体成分計測装置。

【発明の詳細な説明】

[0001]

【発明の属する技術分野】本発明は、無侵襲的に生体成分情報を計測する無侵襲生体成分計測装置に関する。 【0002】

【従来の技術】生体の循環動態は、個人の行動成績や運動成績と関連することが多い。例えば、血中へモグロビン濃度は酸素の運搬能力を直接反映することから、特に有酸素系(エアロビックな)運動能力を示す指標として有用であることが報告されている。

【0003】 このような指標は定期的に計測することが必要であるが、通常の採血による方法では、頻回の計測は困難である。

【0004】そこで、簡単な装置構成で指などの生体の一部に合まれる血管の透過像を得、これを画像解析することによって血管サイズやヘモグロビン濃度およびヘマトクリットのような血液成分の濃度を経皮的、非侵襲的に計測しようとする装置が考案されている(例えば、国際特許出願公開番号₩097/24066)。

【発明が解決しようとする課題】

【0005】しかしながら、このような従来の分析装置は、血管幅や血液成分減度などの計測結果を単純に表示できるが、その計測結果をグラフや表にして時系列的な変化を表示したり、また任意の選択情報と結びつけて表示することはできなかった。

【0006】との発明は、このような事情を考慮してなされたもので、複数の光学的情報から計測された同一人の生体成分情報に対応した任意選択情報の時系列データを解析結果として表示させることが可能な無侵襲生体成分計測装置を提供するものである。

[0007]

2

【課題を解決するための手段】との発明は、検査対象とする生体に光を供給するための光源部と、光を受けた生体に光学的情報を検出する受光部と、光学的情報をデータ処理するデータ処理部と、データ処理により得られた生体成分情報を出力する出力部と、データ処理に必要なデータを入力したり操作を行う操作部を備え、データ処理部は同一人の生体成分情報と任意に選択された任意選択情報の時系列データを解析結果として出力部に表示させることを特徴とする。ここで、任意選択情報とは、生10 体の状態を表す指標であって、例えば、体重、血圧、心拍数、体脂肪率なども含む。

【0008】さらに、任意選択情報が同一人の行動成績、運動成績、タイムトライアル成績であることを特徴とする。ここで、行動成績とは、行動によって生じた結果や成果であって、例えば、運動成績、作業成績、労働成績などを含む。また、運動成績とは、徒競走、重量上げ、やり投げ等の運動の成績を示す。さらに、タイムトライアル成績とは、時間を競う競技におけるタイムなどであり、例えば、短距離走、長距離走、水泳などのタイムトライアルの成績を示す。

[0009]

【発明の実施の形態】との発明の生体検査用装置において、生体とはヒトを合む哺乳動物であり、生体の一部とは生体から分離した組織ではなく、生体のありのままの組織の一部であり、例えば指や耳柔などがあげられる。【0010】本発明品の検出部は、光源部と受光部および保持部から構成される。光源部には、半導体レーザ(以下、LD)やLEDあるいはハロゲン光源が使用でき、直接生体の一部に照射してもよいし、ファイバーを介して照射してもよい。波長としては生体組織を透過し、水の吸収が大きくない600~950nmの範囲にあることが好ましい。

【0011】受光部は、レンズなどの光学系とフォトダイオードやCCDなどの受光素子から構成できる。受光部素子にCCDを用いると、血管部分の濃度分布情報が得られる。受光素子としては、CCDの他にラインセンサーやフォトダイオード・アレイが使用できる。また、フォトダイオード1個を血管を横切る方向に駆動させて濃度分布情報を得ることもできる。

0 【0012】受光部の光学系は、受光素子にCCDを用いる場合、単にTV用レンズだけを用いて構成してもよい。

【0013】また、検出部はより好適な光学情報を得るために、光源部と受光部を生体の一部に対して保持するための保持部材を備えることが好ましい。生体の一部が例えばヒトの手の指である場合には、保持部材は光源部と撮像部との間にその指を離脱可能に保持するような部材であればよく、それには、指を指の形状に合わせた穴や溝に挿入させる方式のものや、指を可動片で両側から50 挟む方式のものを用いることができる。

[0014] 本発明品の解析部は、載置部、データ処理部、出力部および操作部から構成される。解析部の載置部に載置された検出部は、コネクタによって解析部と直結するととができる。これらのコネクタは、検出部の光学情報を解析部へ電気信号として送るボートの役割と同時に、検出部と解析部を固定して一体化する役割を担う。検出部と解析部を切り離す場合、検出部を載置部から取り外し、検出部と解析部の間に接続コードを別途設けることで対処できる。

【0015】また、検出部と解析部が、予め収納タイプのリール式接続コードで接続されているか、もしくは、赤外線送受信機などのワイヤレス送受信機を備えることにより、別途、検出部と解析部の載置部にそれぞれに凹凸からなる固定部材、磁石、粘着テープ、ネジ、などにより自由に脱着できる構成にしても良い。

【0016】解析部は、得られた同一人の複数の光学情報から血液に関する情報および任意に選択された情報の時系列データを解析結果として出力部に表示させることができる。血液に関する情報とは、血液や血流に関する情報であって、具体的には血管径や血液成分濃度(例えば、ヘモグロビン、ヘマトクリット等)、血液成分濃度比(例えば、酸素化率等)などである。任意に選択された情報とは、同一人の健康状態を表す指標であったり、行動成績、運動成績およびタイムトライアル成績あっても良い。また、解析部は、光学情報を解析するために、CPU、ROM、RAMおよびI/Oポートからなるマイクロコンピュータ並びに市販のパーソナルコンピュータを利用できる。

【0017】出力部は、CRTや液晶ディスプレイなど の表示装置や、プリンタ等の印字装置を利用できる。

【 O O 1 8 】操作部は、測定者情報や測定データ等を入力できるキーボードまたはテンキーから構成することができる。

[0019]

【実施例】以下、図面に示す実施例に基づいてこの発明を詳述する。これによってこの発明が限定されるものではない。図1はこの発明の生体用検査装置の構成図を示すブロック図であり、「血管幅計測モード」、「血液成分濃度計測モード」および「酸素化率計測モード」を選択的に実行できる。図1において、検出部1は、血管を合む生体の一部(ここではヒトの指)を照明するための光源部11と、照明された生体部分の光像(ここでは透過光像)を撮像する受光部12を備える。

【0020】解析部3は、データ処理部2、出力部24 および操作部35から構成され、データ処理部2は、受光部12が生体の一部を時系列的に複数回撮像するとき、撮像された画像ごとにその画像における生体の一部の位置的特徴(ことでは、指の第1関節位置の輪郭におけるくぼみの座標)を抽出する特徴抽出部31と、抽出された各特徴を記憶する記憶部32と、各特徴を比較す

る比較部33と、比較結果に基づき複数の画像において 同一血管部位を合む解析領域を設定する解析領域設定部 34を備える。

【0021】また、データ処理部2は、撮像された画像について解析領域内の血管を直角に直線的に横切る部分の画像濃度分布を画像の濃度プロファィルとして抽出する抽出部21と、抽出された濃度プロファイルの形態的特徴を定量化する定量化部22と、定量化された特徴に基づいて血管径、血液成分濃度および酸素化率などを演算する演算部23と、演算結果を記憶する記憶部25とを備える。

【0022】さらに、解析部3は演算結果やモニタ画像を出力する出力部(液晶モニター)24、操作部35(キーボード)とからなり、計測モードの設定や解析領域の初期設定、演算部23の演算条件、測定者情報や測定データの入力を行う。また、データ処理部2はパーソナルコンピュータによって構成される。

【0023】図2は図1に示す装置の外観斜視図であり、検出部1を載置部4に載置した状態を示している。 検出部1はアーム5とハウジング6からなり、アーム5 内に光源部11、アーム5に対向してハウジング6内に 受光部12(レンズおよびCCD)を内蔵している。ア ーム5とハウジング6の間に指16を保持し、指16に 光を照射してその透過光を透過像として受光部12で受 光するようになっている。出力部(液晶モニター)24 は、ヒンジ10で解析部3に繋がっており、折り畳むことができる。解析部3には外部記憶媒体の挿入口36が あり、外部記憶媒体を挿入し、測定情報等を記録できる。

30 【0024】図3は図1に示す装置を検出部1側から見た側面図であり、載置部3に載置された検出部1は、検出部1のコネクタ7と解析部3のコネクタ8で直結されている。このように、検出部1と解析部3が載置部4とコネクタ7、8を介して一体化しているために、持ち運ぶときに便利である。

[0025] 図4は、検出部1を解析部3の載置部4から取り外し、コネクタの付いた接続コードで検出部1と解析部3を接続した図を示している。検出部1を解析部3の載置部4から取り外すことにより、測定の自由度が拡がり、座位または臥位等の自由な姿勢での計測可能となる。

[0026] このように、検出部1を解析部3に自由に脱着ができることにより、検出部1の交換も容易であり、測対象の変更(例えば、大人用や子供用)にも柔軟に対応できる。

【0027】図5は、操作部3(キーボード)の一例である。操作部3は、装置電源を入れる「POWER」キー、コマンド領域のメニューをハイライト表示する「メニュー」キー、メニューの選択した項目の実行および測定情報や測定データを入力を確定する「入力」キー、メ

5

ニューツリーに戻るまたは入力を取り消す「取消」キー、頁の切り替えやカーソルの移動を行う「カーソル」キー、測定シーケンスを実行する「測定」キー、並びに数字を入力する「数字」キーから構成される。

【0028】図13は光源部11の正面図であり、LED11aとLED11bとLED11cを備えた発光素子からなる。LED11aとして、中心波長830nm、半値幅40nmのL3989(浜松ホトニクス(株)製)を使用し、LED11bとして中心波長890nm、半値幅50nmのL25656(同上製)を使用し、LED11cとして、中心波長660nm、半値幅40nmのLED(同上製)を使用している。なお、後述するように、「血管幅計測モード」ではLED11aのみを点灯させ、「血液成分濃度計測モード」ではLED11a、11bを、「酸素化率計測モード」ではLED11a、11bを、「酸素化率計測モード」ではLED11a、11b、11cを点灯させる。

【0029】とのような構成において実施される血管 幅、血液成分濃度および酸素化率の計測手順を説明す る。

(1)血管幅計測モード

このモードにおいては、一つの波長を使って時系列的に 複数回血管像を撮像する。まず、図6において、操作部 35を操作して「血管幅計測モード」を設定し(ステッ プS1)、LED11a(第1波長)によって指16を 照明して撮像すると、図8に示すように、指16の輪郭 16aと共に、受光部12側の皮膚表面に局在する血管 (静脈)像40を合む画像41が得られる(ステップS 2)。次に、画像41において解析領域A1を設定する (ステップS3)。

【0030】解析領域A1の設定手順は図7に示す手順により実行される。つまり、計測が第1回目であるときには(ステップS31)、血管像40の最もコントラストのよい領域を検索し、決定した領域を解析領域A1として設定する(ステップS32)。なお、解析領域A1は解析領域設定部34により自動的に設定されるが、使用者が出力部24に出力されるモニタ像を見ながら操作部35を操作して手動設定してもよい。

【0031】設定された解析領域A1は、画像41の画面をX-Y座標平面として、四角形の各頂点の座標が記憶部32に記憶される(ステップS33)。次に、特徴 抽出部31が、画像41において輪郭16aのくばみから関節位置P1を抽出し、袖出した位置P1の座標を記憶部32に記憶させる(ステップS34、S35)。

【0032】また、ステップ31において、計測が第2回目以降である場合には、前のステップにおいて、例えば、図9に示すような画像41aが得られると、記憶されている解析領域A1の座標が読み出されると共に、画像41aから関節位置P2が特徴抽出部31によって抽出される(ステップS36、S37)。

【0033】次に、第1回の計測時に設定した関節位置

6

P1と今回抽出した関節位置P2について座標の差 Δ X、 Δ Yが比較部33によって算出される(ステップS38)。そして、 Δ X、 Δ Yがいずれも所定の許容範囲 δ を越えない場合には(ステップS39)、解析領域設定部34は初斯設定した解析領域A1を Δ X、 Δ Yだけずらすととにより、新しい解析領域A2を設定する(ステップS40)。

【0034】 これによって領域A2内の血管部位は、第1回目の計測時に設定された領域A1内の血管部位と実質的に同一となる。このようにして、一人の被検者の指について時系列的(例えば、2時間おき)に1回計測しても、解析領域A1、A2……Anがその都度設定され、常に血管の同一部位についての計測が行われる。なお、ステップS39において、△X、△Yのいずれかが許容値をを越えると、指16が検出部1に対して正常に設置されていないものと判断され、出力部24に「エラー」が表示される。

【0035】次に、図6のステップS4においで、プロファイル抽出部21が、設定された解析領域内で血管に垂直な方向の濃度プロファイル(図10)を作成すると、定量化部22は、この濃度プロファイルをベースラインで規格化する。ベースラインは、血管部分以外の濃度プロファイルから、最小二乗法などによって求め、これで図10のプロファイルを図11に示すように規格化する(ステップS5)。このようにすることによって、入射光量に依存しない濃度プロファイルを得ることができる。

【0036】演算部23は、この規格化した濃度プロファイル(図10)からピーク高さh1を求め、(1/2)h1における分布輻(半値輻)w1を血管幅として算出し、記憶部25に格納する(ステップS6)。そして、所定回数の計測が完了すると、算出した血管幅からその時系列的変化を表わすグラフや表を作成して表示する(ステップS7~S9)。

【0037】(2)血液成分濃度計測モード このモードにおいては、2波長について各1回撮像する 動作を時系列的に複数回行う。まず、図6において、操 作部35を操作して「血液成分濃度計測モード」を設定 し(ステップS11)、LED11a(第1波長)とL ED11b(第2波長)とによって順に指16を照明 し、それぞれ最像を行い(ステップS12、S13)、 第1波長により得られた画像について、ステップS3と 同じ手順、つまり図7に示す手順により解析領域を設定 する(ステップS14)。

【0038】次に、プロファイル抽出部21が、第1および第2波長により得られた各画像について、図10に示すようなそれぞれの第1の濃度プロファイルおよび第2の濃度プロファイルを作成する(ステップS15)。 定量化部22は、第1、第2の各濃度プロファイルをべ50 ースラインでそれぞれ図11、図12に示すように規格

化する(ステップSI6)。

【0039】そこで、演算部23は、規格化された各濃 度プロファイル(図11)についてピーク高さh1およ び半値幅w1を算出し規格化された第2の濃度ブロファ イル(図12)について同様にピーク高さh2を算出し (ステップS17)、次のようにしてヘモグロビン濃度*

 $log(1-h1) = -k(S1+A1)w1 \cdots (1)$

である。ことで、kは比例定数である。

※て、 $SI = \sigma I \cdot HCT$, $A1 = \varepsilon 1 \cdot HGB \cdots (2)$

【0041】ところで散乱係数S1と吸収係数A1は、 それぞれ血液のヘマトクリットHCTとヘモグロビン量 10 故に、

に比例すると考えられるので、σΙ、ε1を定数とし ※

 $log(1-h1) = -(k\sigma 1 \cdot HCT + k\varepsilon 1 \cdot HGB) \cdot w1$

..... (3)

 $\star = \sigma 2 \cdot HCT$ 、A2= $\epsilon 2 \cdot HGB$ ($\sigma 2$ 、 $\epsilon 2$ は定

となる。

【0042】そこで、LED11b (第2波長) による 画像から求めたビーク高さh2についても同様に、S2★

プS18)。

が成立っているとすると

 $log(1-h2) = -k(S2+A2) \cdot w1$

= - $(k\sigma 2 \cdot HCT + k \epsilon 2 \cdot HGB) \cdot w1$

際には

..... (4)

ク値は組織がない場合に比べて小さくなる。よって、実

となる。k、σ1、σ2、ε1、ε2は理論的又は実験 20☆在する組織によって画像はボケるため、観察されるビー 的に決定されるので、h1、h2、w1が得られると、 式(3)、(4)よりHGB、HCTが決まる。

【0043】ところで、実際には血管から表皮までに存☆

log(1-h1) = -k(S+A)w1+T(5)

となる。ことで、Sは血液の散乱係数、Aは血液の吸収 係数、Tは生体組織による影響を表す項である。

【0044】さて、このTは、得られた画像の中で血管 像のコントラストが最大となる部分を解析領域に選択す ることによって、比較的一定となることを実験的に見い だした。従って、実験的に求めたTを用いればHGB、 HCTを求めるのに問題とはならない。算出されたHG BとHCTは記憶部25に格納される。このような計測 が所定回数くり返されると、演算部23は、算出した値 からその時系列的変化を表わすグラスや表を作成して表 示する(ステップS19、S20)。

【0045】(3)酸素化率計測モード

とのモードでは複数波長について各1回撮像する動作を (時系列的に)複数回行う。操作部35により「酸素化 率計測モード」を設定する。そして、図14に示すよう にLED1la (第一波長:830nm) によって指1 6を照明し撮像を行う(ステップS51)。次に、LE D11b (第2波長:890nm) によって指16を照 明し、同様に撮像する(ステップ52)。次に、LED 11c(第3波:660nm)によって指16を照明し 撮像する(ステップS53)。そして、図7に示す手順 で、解析領域を設定する(ステップ54)。

【0046】次に、第1、第2および第3波長による画 像の各濃度プロファイルを図10に示すように作成する (ステップS55)。次に、各濃度プロファイルを規格◆

◆化し(ステップS56)、ピーク高さh1、h2、h3 と幅w1を算出する(ステップS57)。次に、酸素化 率を算出して記憶部25 に格納する (ステップS5 8)。所定回数の計測を繰り返し、その時系列的変化を 表すグラフや表を作成して表示してもよい(ステップS 30 59 \sim S61).

【0047】ととで、ステップS58において酸素化率 を算出する原理を説明する。全へモグロビン量をHG B、酸化ヘモグロビン量をHGBo、還元ヘモグロビン 量をHGBrとすると

HGB = HGBo + HGBr (6)

【0048】また、第1波長での酸化および還元へモグ ロビンに対する吸光度 ε 1 (等吸収なので)、第2波長 での酸化および還元へモグロビンに対する吸光度を ε 2 (等吸収なので)、第3波長での酸化および還元へモグ ロビンに対する吸光度をそれぞれ ϵ 3o、 ϵ 3rとす

【0049】さらに、第1波長での吸収係数をA1、散 乱係数をS1、第2波長での吸収係数をA2、散乱係数 をS2、第3波長での吸収係数をA3、散乱係数をS3 とし、各波長について規格化された濃度プロファイルの ピーク高さをそれぞれ、h1、h2、h3、幅をw1と すると、式(1)と同様にして、

 $\log (1-h1) = -k (A1+S1) w1 \cdots (7)$

* HGBおよびヘマトクリットHCTを算出する(ステッ

【0040】つまり、第1波長における血液の散乱係数 をS1、吸収係数をA1とし、近似的にBeerの法則

 $log(1-h2) = -k(A2+S2) w1 \cdots (8)$ $log(1-h3) = -k(A3+S3) w1 \cdots (9)$

となり、式(7)、(8)よりA1、A2、S1、S2 $*S3 = \sigma3 \cdot HCT \cdots (10)$ は決定する。 として決定される。従って、式(9)、(10)からA

【0050】一方、S3は、S1、S2と同様に、血液 のヘマトクリットHCTに比例すると考えられ、

3も求まる。 [0051]ところで、

 $A3/A1 = (\epsilon 3 \circ \cdot HGB \circ + \epsilon 3 \cdot r \cdot HGB \cdot r) / (\epsilon 1 \cdot HGB)$

..... (11)

10

A3/A1=ε3r·HGBr/(ε1·HGB)

 $= a \cdot HGBr/HGB$

..... (12)

となる($a = \varepsilon 3 r / \varepsilon 1$)。

※ ※【0052】酸素化率の定義から

r = HGBo/HGB

 $= 1 - HGBr/HGB = 1 - (1/a) \cdot (A3/A1) \cdots (13)$

となり、酸素化率が算出される。なお、静脈の酸素化率 の臨床的な意義は、現時点では動脈血の酸素飽和度ほど 明確ではない。しかし、動脈の酸素飽和度と静脈の酸素 飽和度の差が実際に消費される酸素量であり、静脈の酸・ 素飽和度は、生体の酸素の予備量を反映していると考え **られる。**

【0053】図15は出力部24(液晶ディスプレイ) の表示例である。グラフ表示領域51、測定データ表示 領域52、測定情報領域53、メッセージ領域54、デ ータ表示形式切替領域55、コマンド領域56がある。 グラフ表示領域51は、計測装置より得られた生体成分 情報と任意選択情報を時系列データのグラフとして表示 できる。測定データ表示領域52は、グラフ上のある測 定時点の測定データを表示できる。測定情報領域53 は、測定番号、測定者名、生年月日、性別等の測定者情 報が表示される。メッセージ領域54はシステムの状態 30 可能であり、目的に応じたコンディションの管理ができ を示すメッセージや、測定者に動作を促すメッセージを 表示できる。データ表示形式切替領域55は、データ表 示形式を切り替えるためのアイコンを表示し、グラフ、 一覧表、画像等のいずれかに表示を切り替えることがで きる。コマンド領域は、いろいろなコマンドを実行する アイコンが表示され、各アイコンを選択すると、PCカ ードへの測定データの記録、ファイルの削除、設定、デ ータの転送、印刷、メンテナンス等を実行できる。

【0054】図15のグラフ領域51に示されたグラフ は、同一の被験者について、毎日の運動前に計測して得 40 られた血管幅、ヘモグロビンHGB、酸素化率SVI と、任意の選択情報中からタイムトライアルのタイムを 選択して入力した測定データ基づいた時系列グラフであ る。グラフ領域51には示されていないが、任意選択情 報として乳酸(乳酸値)、血圧H(血圧最大値)、心拍 数が選択、データ入力されており、図3に示した「カー ソル」キーで表示領域を切り替えて、グラフ領域51に 時系列グラフとして表示できる。また、「カーソル」キ ーで時系列データのグラフ上の計測点を示すバー(棒) を動かすことができ、グラフ領域51に測定日と測定時 50

間とその時点の測定結果とコメントをデータ表示領域5 2に表示できる。

【0055】とのように、計測装置の計測結果と任意選 択情報との関係が時系列的に一目でわかり、計測結果の 予測(増加または減少傾向)が容易となり、便利であ

20 る。また、コンディションを反映した項目を任意に選択。 可能であり、目的に応じたコンディションの管理ができ

[0056]

【発明の効果】この発明によれば、計測結果を時系列デ ータのグラフや表として表示したり、また任意の選択情 報と結びつけて表示することができる。これにより、計 測結果とコンディションが時系列的にわかり、計測結果 の予測(増加または減少傾向)が容易となり、便利であ る。また、コンディションを反映した項目を任意に選択 る。このような無侵襲生体成分計測装置は、測定場所を 選ばず、どとでも持ち運びができ、定期的に計測したい 有酸素系運動能力指標として有用なヘモグロビン濃度の 測定が簡単に短時間に行え、測定結果も時系列データと して表示され、その日のコンディションが一目でわかる 利点がある。

【図面の簡単な説明】

【図1】この発明の実施例の構成を示すブロック図であ

【図2】この発明の実施例の外形を示す斜視図である。

【図3】この発明の実施例の外形を示す側面図である。

【図4】この発明の実施例の外形を示す斜視図である。

【図5】この発明の実施例の操作部を示す図である。

【図6】この発明の実施例の動作を示すフローチャート である。

【図7】この発明の実施例の動作を示すフローチャート である。

【図8】この発明の実施例により得られる画像例を示す 説明図である。

【図9】との発明の実施例により得られる画像例を示す

(7)

12

説明図である。

【図10】 この発明の実施例の画像例の濃度プロファイルを示す説明図である。

【図11】との発明の実施例の正規化された濃度ブロファイルを示す説明図である。

【図12】この発明の実施例の正規化された濃度プロファイルを示す説明図である。

【図13】との発明の実施例の光源の正面図である。

【図 I 4 】 との発明の実施例の動作を示すフローチャートである。

【図15】との発明の実施例の表示例を示す説明図である。

【符号の説明】

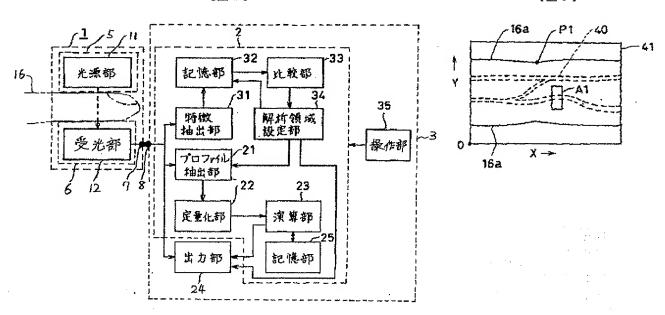
- 1 検出部
- 2 データ処理部

*3 解析部

- 4 載置部
- 11 光源部
- 12 受光部
- 21 プロファイル抽出部
- 22 定量化部
- 23 演算部
- 24 出力部
- 25 記憶部
- 10 31 特徽抽出部
 - 32 記憶部
 - 33 比較部
 - 3 4 解析領域設定部
 - 35 操作部

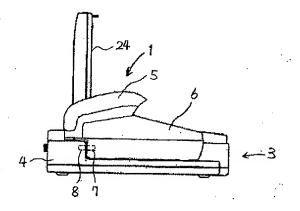
[図1]

【図8】

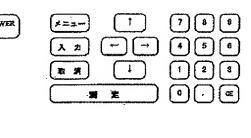


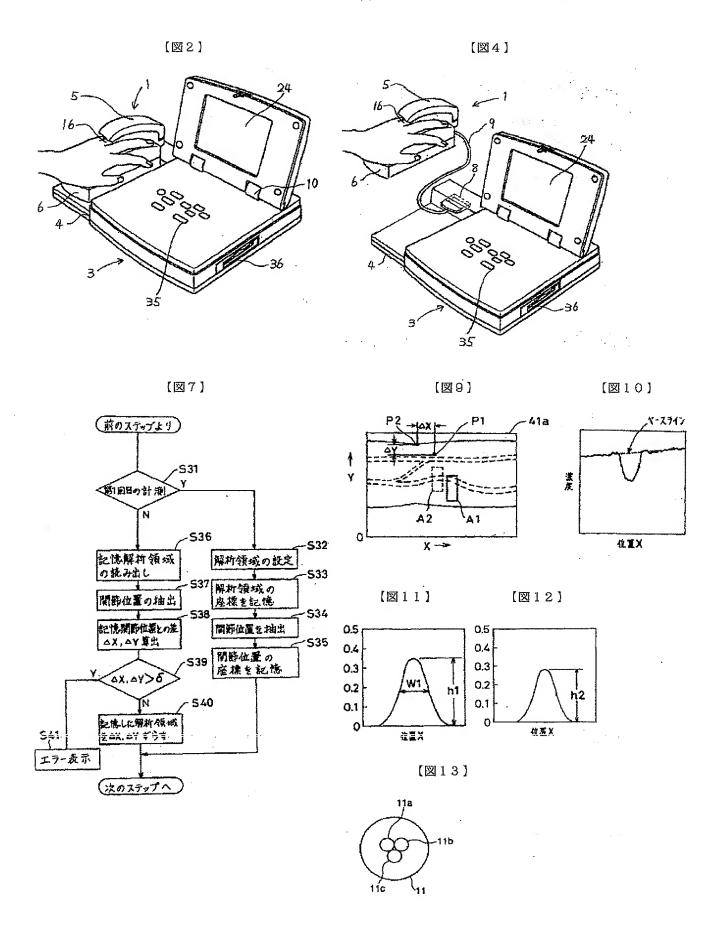
*

[図3]

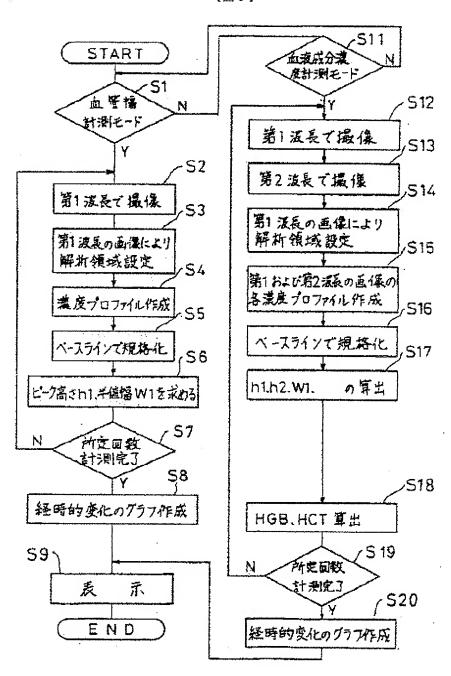


【図5】

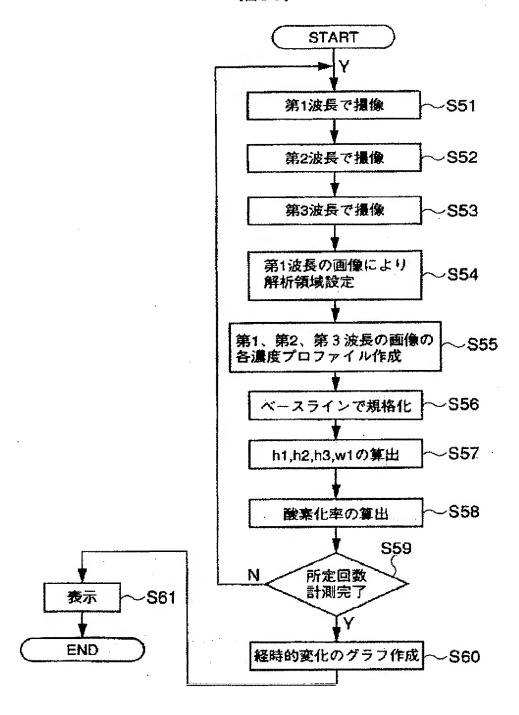




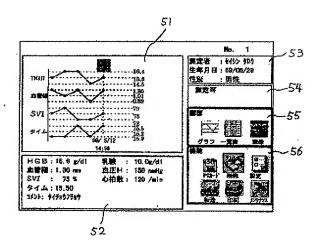
[図6]



[図14]



[図15]



フロントページの続き

F ターム(参考) 2G059 AA01 BB04 BB12 CC18 EE01 EE11 GG01 GG02 KK04 MM01 MM10 4C038 KK00 KK01 KL07 KM00 KX01

				P
	Ų.			
			v	
			ir ir	